

Japan-Korea-China

主催／(独)科学技術振興機構
Japan Science and Technology Agency

Bioinformatics Symposium

日韓中—バイオインフォマティクスシンポジウム

開催日時／**2010年3月1日** 月

10:00～17:30 Date and Time／
1st March (Mon) 2010 10:00～17:30

開催場所／ANAインターコンチネンタルホテル東京
地下一階「オーロラ」

Place／ANA INTERCONTINENTAL HOTEL TOKYO B1FL「AURORA」
<http://www.anaintercontinental-tokyo.jp/access/index.html>

日本・韓国・中国バイオインフォマティクストレーニングコースは、2002年3月に日本と韓国の2カ国合同で第1回目が開催され、その後、第5回目(2006年)からは中国が参加し、三カ国での行事となっています。これまでの8回に渡るトレーニングコースの成果を報告するため、今回シンポジウムを開催します。シンポジウム参加者同士の議論を通じ、日本・韓国・中国のバイオインフォマティクス研究者の連携がさらに強まることが期待されます。

使用言語：英語(通訳無し)

〈Korean speakers〉

■ **Dr. Sanghyuk Lee** Director, Korean Bioinformation Center
Title: **Transcriptome Analysis for Identifying Fusion Genes in Cancer**

■ **Dr. Daehee Hwang** Professor, POSTECH
Title: **An Integrative Approach to Mitochondrial Disorders**

■ **Dr. Dongsup Kim** Professor, KAIST
Title: **Interaction and Structural Networks of Proteins**

〈Chinese speakers〉

■ **Dr. Yixue Li** Professor & Vice Director, Shanghai Center for Bioinformation Technology
Title: **A novel bioinformatics strategy for the post-GWAS study based on the next generation sequencing**

■ **Dr. Chaochun Wei** Associate Professor, Shanghai Jiaotong University
Title: **Finding diversity of a microbe community: 16S rRNA or metagenome sequencing method?**

■ **Dr. Lu Xie** Professor & Assistant Director, Shanghai Center for Bioinformation Technology
Title: **Reconstructing phosphorylation-mediated human signaling transduction network**

〈Japanese speakers〉

■ **Dr. Naruya Saitou**, Professor, National Institute of Genetics
Title: **MISHIMA - A new method for rapid construction of multiple alignments for large number of sequences up to bacterial genome size**

■ **Dr. Takashi Gojobori**, Professor & Vice Director, National Institute of Genetics
Title: **The evolutionary origin of central nervous system - an approach from comparative gene expression**

■ **Dr. Yoshio Tateno**, Specially Appointed Professor, National Institute of Genetics
Title: **Construction and evaluation of bacterial phylogeny by using genome-scale information**

講演者／

- 斎藤 成也 (情報・システム研究機構 国立遺伝学研究所 教授)
- 五條堀 孝 (情報・システム研究機構 国立遺伝学研究所 副所長)
- 舘野 義男 (情報・システム研究機構 国立遺伝学研究所 特任教授)

申込み／メールアドレス：**jck-bio@the-convention.co.jp**

Fax：**03-5214-7379**

※参加者氏名、所属、役職、連絡先(メールアドレス・電話番号)を日本語・英語両方でお知らせ下さい。