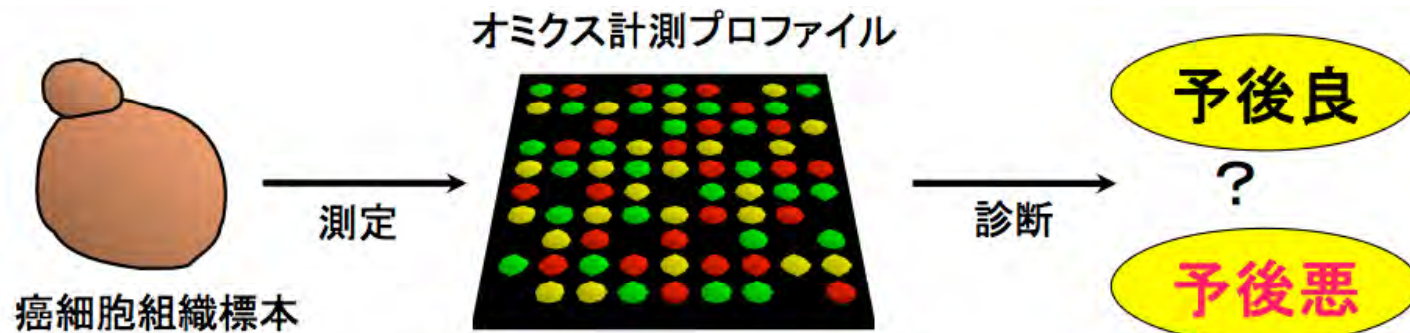
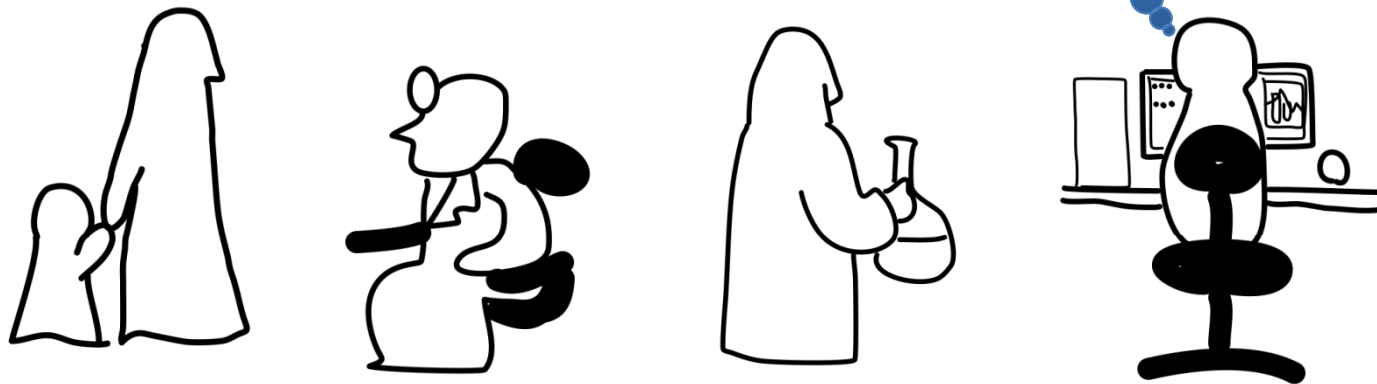


インフォマティクスによる 診断マーカー探索

大羽成征 (京都大学・情報学研究科・講師)



ベストな単一遺伝子は？
ベストな組み合わせは？



インフォマティクスによる 診断マーカー探索

大羽成征 (京都大学・情報学研究科・講師)



数千個・数万個の「判定」を同時に行う
超多重検定ならではの困難と、
そのうまい克服方法とは？