令和 8 年 10 月 28 日
公益財団法人がん研究会
国立大学法人東海国立大学機構名古屋大学
国立大学法人広島大学
国立研究開発法人科学技術振興機構（JST）

ヒトの DNA 複製で「誤りがちな酵素」が働く場所を解明
－DNA ポリメラーゼηは複製のラギング鎖と後期領域で働き、がんゲノムの変異分布とも関連する－

１．ポイント

- 紫外線による DNA 損傷を乗り越える働きで知られる DNA ポリメラーゼη（Polη：イータ）は損傷部位を読み越して DNA 合成を続けられる柔軟性を持つ一方、その代償として複製精度が低く誤りを生じやすい傾向（誤りがち）にあります。本研究では、この Polη がヒト細胞の通常の DNA 複製にも機能していることを発見しました。
- Polη は、DNA 複製時に断続的に合成される「ラギング鎖」で優先的に働きます。また、DNA 合成期の後半に複製されるゲノム領域では、その使用が増加していました。
- DNA ポリメラーゼの台車の働きをする PCNA の結合は Polη のラギング鎖合成に必要であり、PCNA のユビキチン化は複製後期領域での Polη の使用増加に必要なことがわかりました。
- がんゲノムの解析では、一部のがんで Polη が働く領域に特定の塩基置換変異が多く見られ、PCNA をユビキチン化する酵素の発現量との関連も認められました。

２．概要

公益財団法人がん研究会がん研究所の Lewis Bainbridge 博士研究員と大学保一プロジェクトリーダーらは、名古屋大学環境医学研究所の増田雄司准教授（広島大学兼任）、益谷央豪教授らとの共同研究により、DNA ポリメラーゼη（Polη：イータ）(*) がヒトの DNA 複製で機能する領域をゲノム全体にわたって同定しました。Polη は紫外線による DNA 損傷を乗り越える酵素であり、これを欠損すると紫外線損傷 DNA の複製に支障をきたし、高発がん性遺伝疾患である色素性乾皮症を発症することが知られています。今回の研究により、外部から損傷ストレスを与えていない細胞でも、Polη が特にラギング鎖の合成に関与し、複製後期のゲノム領域で多く使われることを明らかにしました。

上記の結果を踏まえ、Polη による複製がゲノム上の変異生成に関与するかどうかも検討しました。Polη は損傷を乗り越えて柔軟に DNA を合成できる反面、合成時に誤りを生じやすい酵素です。そのため、この酵素が DNA 複製に関与すると、合成エラーによって変異が生じる可能性があります。がん患者由来のゲノムデータを用いて、Polη の合成に由来すると考えられる変異の分布を検証したところ、複数のがん種で、その分布が Polη の合成領域と整合することが示されました。また、PCNA のユビキチン化と Polη による変異の増加との間に強い関連も認められました。

総じて、本研究は、誤りがちな DNA ポリメラーゼ Polη がヒトゲノムの複製に関与することを示しました。これらの結果は、Polη が、従来から知られている DNA 損傷を乗り越える合成に加え、通常の DNA 複製にも関与し、変異生成の原因にもなっていることを示唆しています。

本研究成果は、学術誌『Nature Communications』へ掲載されました。

３．論文名、著者およびその所属

○論文名

Strand- and replication timing-dependent functions of DNA polymerase η in human DNA replication

○掲載誌名

Nature Communications

（※2026年10月28日にオンラインに掲載されました。）

○著者

Lewis J. Bainbridge[1], Yuji Masuda[2,3,4], Tamiko Minamisawa[1], Mami Takahashi[1], Kanae Kaneko[1], Chikahide Masutani[2,3] and Yasukazu Daigaku[1,*]

○著者の所属機関

1. がん研究会 がん研究所 がんゲノム動態プロジェクト
2. 名古屋大学環境医学研究所
3. 名古屋大学大学院医学系研究科
4. 広島大学原爆放射線医科学研究所

（*責任著者）

○**DOI : 10.1038/s41467-026-78467-z**

４．研究の詳細

背景と経緯

がんが進展する過程では、細胞の DNA に変異が蓄積します。その原因は様々ですが、がんで見られる変異の約 3 分の 2 が DNA 複製時のエラーに由来するとされています。DNA 合成を担う酵素である DNA ポリメラーゼの働きが変化すれば、複製時に生じる変異が増える可能性があります。しかし、DNA ポリメラーゼの使われ方が、がんゲノムの変異にどう関わるかは十分に分かっていません。

細胞には、ゲノムの大部分を正確に複製する DNA ポリメラーゼに加え、DNA 損傷などによって複製が妨げられたときに働くポリメラーゼもあります。後者は損傷を乗り越えて DNA を合成できる一方、誤った塩基を取り込むことがあります。これまで、こうしたポリメラーゼについては、主に DNA 損傷を乗り越える働きや、DNA 修復時の穴埋めをする働きが研究されてきました。一方、外部から DNA 損傷を与えていない細胞で、ゲノムのどこで使われるかは十分に明らかではありませんでした。そこで本研究では、紫外線による DNA 損傷を乗り越える Pol η に着目し、通常の DNA 複製での使われ方と、がんゲノムに見られる変異分布との関係を明らかにしました。

研究内容

本研究グループは、DNA 合成時にデオキシリボヌクレオチドの代わりにリボヌクレオチド(**)を取り込みやすくした Pol η の変異をヒト細胞に導入しました。取り込まれたリボヌクレオチドを DNA 上の記録として読み取る Polymerase usage sequencing（Pu-seq）法を用い、Pol η がゲノム DNA のどの位置で、二本の鎖のうちどちらを合成したかを解析しました。その結果、Pol η がラギング鎖の合成に関与することを明らかにしました。ラギング鎖合成（***）は、DNA 複製が進む向きとは逆向きに、短い DNA 断片が繰り返し合成される仕組みです（**図１**）。

Pol η がラギング鎖の合成に関わる仕組みを検証するため、DNA ポリメラーゼの台車となる PCNA（****）に着目しました。PCNA は、ラギング鎖の合成を主に担う Pol δ を支えるタンパク質ですが、PCNA がユビキチン化されると Pol η の使用が促され、Pol η 自身も PCNA に結合します。実験では、PCNA のユビキチン化を妨げると Pol η による合成のラギング鎖への偏りが弱まり、Pol η の PCNA 結合部位に変異を導入すると、その偏りが失われました。これらの結果は、PCNA との結合と PCNA のユビキチン化が、ラギング鎖における Pol η の使用を決定する因子であることを示し、また、PCNA 上でポリメラーゼが頻繁に入れ替わることが Pol η などの誤りがちな DNA ポリメラーゼが DNA 複製

に関与する原因であると考えられます（**図１**）。

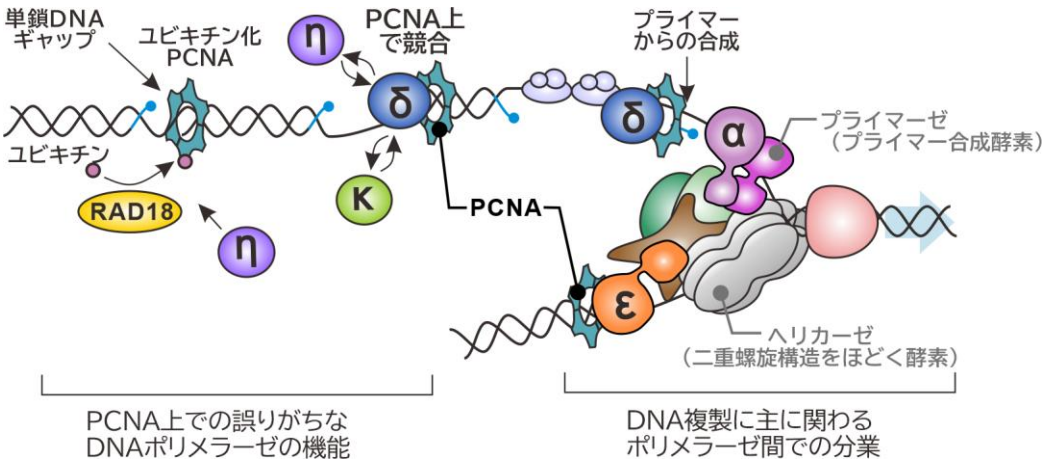

図1　誤りがちな DNA ポリメラーゼ Pol η が DNA 複製に関与するメカニズム

本研究グループは、Pol η が DNA 複製のどの時期に使われるかも検証しました。ヒトゲノムには、細胞周期の前半に複製される領域と、後半に複製される領域があります。両者を比較すると、Pol η は後期に複製される領域で多く使われていました（**図２**）。この結果は、後期複製領域で見られる変異の蓄積に、Pol η などのポリメラーゼの使われ方が関わる可能性を示しています。

さらに、Pol η の使用と変異との関係を調べるため、がん患者由来のゲノムデータ（*****）を用い、Pol η による合成で生じうる A から G への塩基置換（A>G）に着目しました。皮膚がんや胃がんなど複数のがん種では、この変異が後期複製領域に偏っていました。また、その偏りは、PCNA のユビキチン化に関わる RAD18 や UBE2A の遺伝子発現量とも関連していました（**図３**）。これらの結果は、PCNA のユビキチン化に依存する Pol η の使用（**図２**）が、がんゲノムに見られる変異の分布に関わる可能性と整合します。

総じて、本研究は、DNA 損傷を乗り越える働きで知られる Pol η が、通常のヒトゲノムの複製にも関与することを示しました。また、複製時の Pol η の使われ方が、ゲノムに生じる変異の分布に影響する可能性を示しています。このことは、生物が進化する上で、誤りがちな DNA ポリメラーゼが合成の柔軟性と変異生成の二面性を持ち続けてきた結果と考えられますが、我々の体内においては、がん発生に関わる変異やがん進行の過程での遺伝的多様性の原因となることを意味しています。

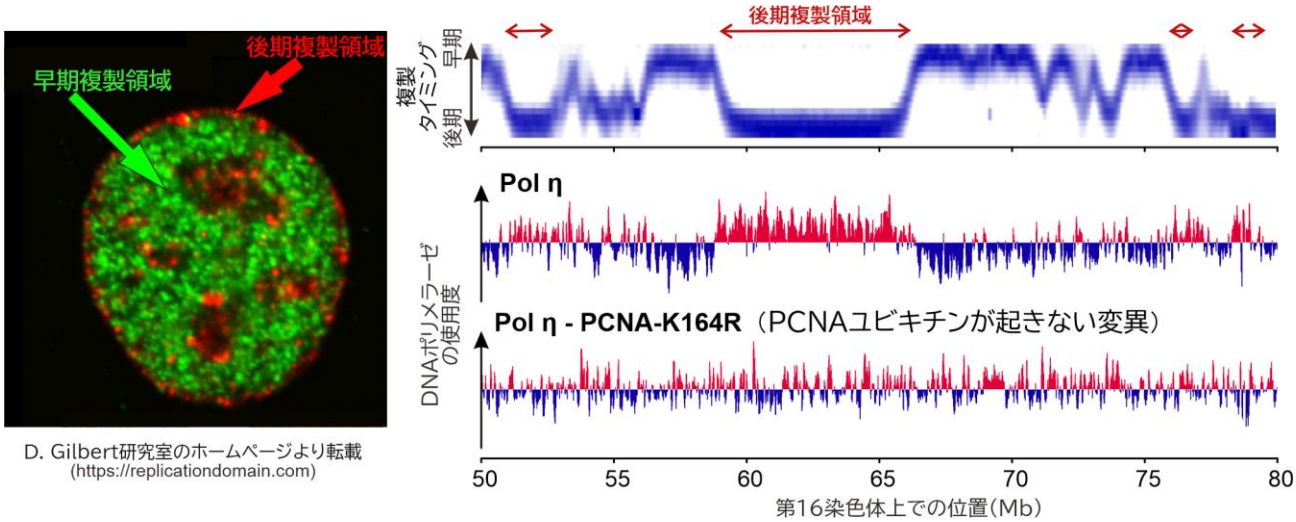

図2　後期複製領域における Pol η の合成バイアス

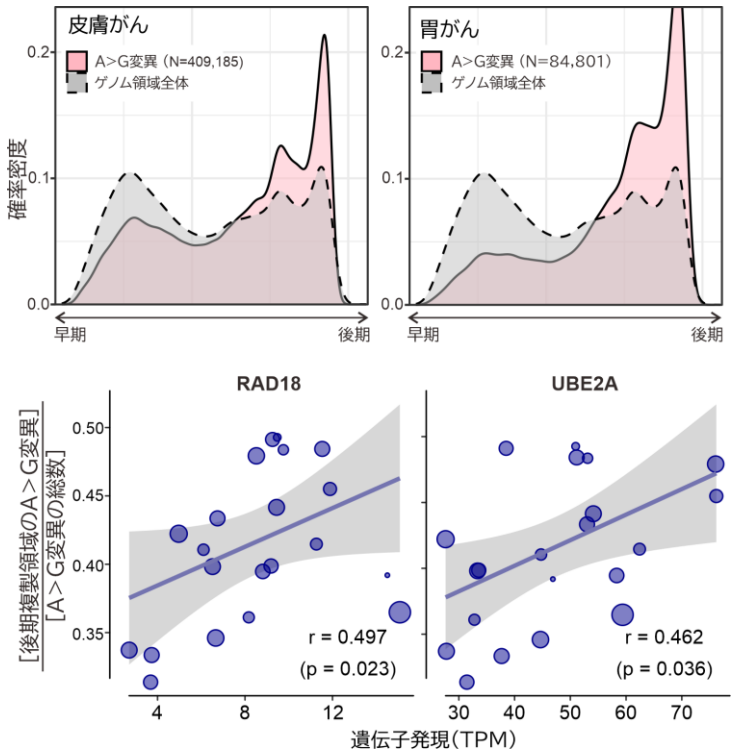

図3　Polηによる合成で生じうるAからGへの塩基置換の後期複製領域への偏り

今後の展開

現在までに、がん遺伝子の活性化によって DNA 複製に負荷がかかった際に、Polηなどの誤りがちな DNA ポリメラーゼが、がん細胞の増殖を支えることが報告されています。今後は、どのようながん種や遺伝的背景で、こうしたポリメラーゼの使用が増えるのかを検証し、さらに、その働きを抑えることでがん細胞の増殖を妨げられるかを明らかにすることで、新たな治療標的の探索につなげます。

現在のがん治療には、DNA を傷つけるシスプラチンや、DNA 合成に必要な材料の産生を妨げる 5-FU が用いられています。今後、DNA ポリメラーゼの使われ方とこれらの薬剤の効果との関係を調べ、治療効果の予測に役立つ指標や、新たな治療法の開発につながる知見を得ることを目指します。

５．本研究への支援

本研究は、以下の支援を受けて実施されました。

・科学技術振興機構（JST）　創発的研究支援事業　研究領域：塩見（美）パネル「ゲノム複製におけるＤＮＡポリメラーゼ間の協調的機能」JPMJFR204X（研究代表者：大学　保一）
・科学技術振興機構（JST）　戦略的創造研究推進事業　さきがけ　研究領域：ゲノムスケールの DNA 設計・合成による細胞制御技術の創出「レプリケーター領域の構成的理解を介した染色体複製の制御技術の確立」JPMJPR18K7（研究代表者：大学　保一）
・日本医療研究開発機構（AMED）医療分野国際科学技術共同研究開発推進事業　先端国際共同研究推進プログラム（ASPIRE）日仏コンソーシアム「複製ストレスによる細胞老化とがん免疫」（研究代表者：大学　保一）
・日本学術振興会（JSPS）科学研究費補助金　JP21K19203 , JP23K27156 , JP26K01989（研究代表：大学　保一）
・日本学術振興会（JSPS）科学研究費補助金　JP24K18094（研究代表者：Lewis Bainbridge）
・日本学術振興会（JSPS）科学研究費補助金　JP23K11418（研究代表者：増田　雄司）
・日本学術振興会（JSPS）科学研究費補助金　JP26K09283（研究代表者：益谷　央豪）
・車両競技公益資金記念財団（研究代表者：大学　保一）

・内藤記念科学振興財団 研究助成（研究代表者：大学 保一）
・武田科学振興財団 ライフサイエンス研究助成（研究代表者：大学 保一）

６．用語解説・追加説明

* DNA ポリメラーゼ：DNA を合成する酵素。ヒトでは１６種類あり、DNA 複製、修復など多岐に渡る役割を持つ。

** リボヌクレオチド：RNA を作る材料となる分子。通常、DNA は別の材料から作られるが、DNA ポリメラーゼが DNA を合成する際に、デオキシリボヌクレオチドの代わりにリボヌクレオチドを取り込むことがある。

*** ラギング鎖合成：DNA を複製するとき、二本の鎖のうち一方は連続的に合成される。もう一方では、複製が進む向きとは逆向きに短い DNA 断片が繰り返し作られる。この断片的な合成をラギング鎖合成と呼ぶ。

**** PCNA：三つの同じタンパク質が集まってできた、ドーナツ状の分子。DNA を取り囲みながらその上を移動し、結合した DNA ポリメラーゼによる合成を助ける。PCNA に「ユビキチン」という小さなタンパク質が付くことを、PCNA のユビキチン化と呼ぶ。細胞の中ではユビキチン化がシグナルとなり様々な反応がおきる。

***** 本研究で解析したがんゲノムの変異データは、The Cancer Genome Atlas Program (TCGA)から取得した。

７．お問い合わせ先

【公益財団法人がん研究会】
＜がん研究会に関すること＞
公益財団法人がん研究会 広報課
TEL: 03-3570-0775　FAX: 03-3520-0141　E-mail: ganken-pr@jfcr.or.jp

【国立大学法人東海国立大学機構名古屋大学】
＜報道に関すること＞
名古屋大学医学部・医学系研究科 総務課総務係
TEL: 052-744-2228　FAX: 052-744-2785　E-mail: iga-sous@t.mail.nagoya-u.ac.jp

【国立大学法人広島大学】
広島大学　広報グループ
TEL: 082-424-4383　FAX: 082-424-6040　E-mail: koho@office.hiroshima-u.ac.jp

【国立研究開発法人科学技術振興機構】
＜JST 事業に関すること＞
科学技術振興機構 創発的研究推進部
東出　学信
〒102-0074 東京都千代田区九段南 3－3－6 麹町ビル 3 階
TEL: 03-5214-7276　E-mail: souhatsu-inquiry@jst.go.jp

＜報道に関すること＞
科学技術振興機構 広報課
TEL: 03-5214-8404　FAX: 03-5214-8432　E-mail: jstkoho@jst.go.jp