多細胞システムにおける細胞間相互作用とそのダイナミクス 2020 年度採択研究代表者

2022 年度 年次報告書

村瀬 浩司

東京大学 大学院農学生命科学研究科/科学技術振興機構 特任准教授/さきがけ研究者

植物の自家不和合性における細胞間相互作用のダイナミクス

研究成果の概要

本研究はアブラナ科植物の自家不和合性において、ハプロタイプ新生時に自家不和合性の表 現型が維持されるかを調べるために、MD シミュレーションを用いた解析を行っている。 昨年度まで の解析から、近縁なハプロタイプ 3 組の推定祖先種は強い SRK-SP11 相互作用をもつことが予測 された。そこで、本年度は推定祖先種の予測構造から推定される SRK-SP11 相互作用アミノ酸の 調査と unfolding 自由エネルギーの解析から、推定祖先種から現行種に移行するために必要な最 小アミノ酸の予測を行った。これらの解析から、S32とS36ハプロタイプの推定祖先種であるSaハプ ロタイプは SP11 では 1 つ、SRK では 2 つのアミノ酸を S_{36} ハプロタイプのアミノ酸に置換すること で、S36 ハプロタイプの SRK,SP11 と MD シミュレーションにて強い相互作用を確認した。シミュレー ション結果を実験的に検証するために 6 つのハプロタイプについて *SRK* および *SP11* 遺伝子をシ ロイヌナズナに導入して自家不和合性シロイヌナズナの作出を試みたところ、1つのハプロタイプ では自家不和合性が確認されたが、他5つのハプロタイプでは自家不和合性を示さなかった。 ハプロタイプ新生時にはS遺伝子座にゲノム構造変化が起きてハプロタイプ間で相同組み換え が抑制される。このゲノム構造変化がS遺伝子座の相同組み換え抑制に及ぼす影響を評価する ためにシロイヌナズナ種子に GFP を大量発現させて相同組み換えを検出する手法の開発を行っ ている。本年度はシロイヌナズナ由来の 1.5 kb のイントロンを GFP 遺伝子の 4 か所にそれぞれ挿 入した4つのコンストラクトを作製して人工イントロンが機能するかを調べたところ、3つのコンストラ クトは強い GFP 蛍光を示した。 今後はこれらのコンストラクトを用いて、実際に相同組み換えの検 出を行う。