



論文リスト

堀越ジーンセクタープロジェクト (2002年12月現在)

I. Papers

1. Yamamoto, T.; Horikoshi, M. Defect in cytokinesis of fission yeast induced by mutation in the WD40 repeat motif of a TFIID subunit. *Genes Cells*. 3, 347-355 (1998).
2. Kimura, A.; Horikoshi, A. How do histone acetyltransferases select lysine residues in core histones? *FEBS Lett.* 431, 131-133 (1998).
3. Suzuki, T.; Yamamoto, T.; Kurabayashi, M.; Nagai, R.; Yazaki, Y.; Horikoshi, M. Isolation and initial characterization of GBF; a novel DNA-binding zinc finger protein that binds to the GC-rich binding sites of the HIV-1 promoter. *J. Biochem.* 124, 389-395 (1998).
4. Kimura, A.; Horikoshi, M. Tip60 acetylates six lysines of a specific class in core histones in vitro. *Genes Cells*. 3, 789-800 (1998).
5. Adachi, N.; Matsumoto, M.; Hasegawa, S.; Yamamoto, T.; Horikoshi, M. Analysis of TFIIH subunit through isolation of the gene from *Schizosaccharomyces pombe* corresponding to that of *Saccharomyces cerevisiae* SSL1, reveals the presence of conserved structural motifs. *Yeast*. 15, 255-262 (1999).
6. Himukai, R.; Kuzuhara, T.; Horikoshi, M. Relationship between the subcellular localization and structures of catalytic domains of FKBP-type PPIases. *J. Biochem.* 126, 879-888 (1999).
7. Suzuki, T.; Kimura, A.; Nagai, R.; Horikoshi, M. Regulation of interaction of the acetyltransferase region of p300 and the DNA-binding domain of Sp1 on and through DNA binding. *Genes Cells*. 5, 29-42 (2000).
8. Munakata, T.; Adachi, N.; Yokoyama, N.; Kuzuhara, T.; Horikoshi, M. A human homologue of yeast anti-silencing factor has histone chaperone activity. *Genes Cells*. 5, 221-233 (2000).
9. Kang, S.-W.; Kuzuhara, T.; Horikoshi, M. Functional interaction of general transcription initiation factor TFIIE with general chromatin factor SPT16/CDC68. *Genes Cells*. 5, 251-263 (2000).
10. Ikura, T.; Ogryzko, V.V.; Grigoriev, M.; Groisman, R.; Wang, J.; Horikoshi, M.; Scully, R.; Qin, J.; Nakatani, Y. Involvement of the TIP60 histone acetylase complex in DNA repair and apoptosis. *Cell*. 102, 463-473 (2000).
11. Padmanabhan, B.; Kuzuhara, T.; Mizuno, H.; Horikoshi, M. Purification, crystallization and preliminary X-ray crystallographic analysis of human CCG1-interacting factor B. *Acta Cryst. D*. 56, 1479-1481 (2000).
12. Padmanabhan, B.; Kuzuhara, T.; Horikoshi, M. Crystallization of human CCG1-interacting factor B. *J. Crystal Growth*. 232, 326-329 (2001).
13. Yamaki, M.; Umehara, T.; Chimura, T.; Horikoshi, M. Cell death with predominant apoptotic features in *Saccharomyces cerevisiae* mediated by deletion of the histone chaperone *ASF1/CIA1*. *Genes Cells*. 6, 1043-1054 (2001).
14. Umehara, T.; Chimura, T.; Ichikawa, N.; Horikoshi, M. Polyanionic stretch-deleted histone chaperone *cia1/Asf1p* is functional both *in vivo* and *in vitro*. *Genes Cells*. 7, 59-73 (2002).
15. Padmanabhan, B.; Horikoshi, M. Crystallization and preliminary X-ray diffraction analysis of Creatine amidinohydrolase from *Actinobacillus*. *Acta Cryst. D*. 58, 322-323 (2002).
16. Adachi, N.; Padmanabhan, B.; Kataoka, K.; Kijima, K.; Yamaki, M.; Horikoshi, M. Purification, crystallization and preliminary X-ray diffraction analysis of yeast regulatory particle non-ATPase subunit 6 (Nas6p). *Acta Cryst. D*. 58, 859-860 (2002).
17. Jin, C.; Li, H.; Murata, T.; Sun, K.; Horikoshi, M.; Chiu, R.; Yokoyama, K.K. JDP2, a repressor of AP-1, recruits a histone deacetylase 3 complex to inhibit the retinoic acid-induced differentiation of F9 cells. *Mol. Cell. Biol.* 22, 4815-4826 (2002).
18. Chimura, T.; Kuzuhara, T.; Horikoshi, M. Identification and characterization of ASF1/CIA1 as an interactor for bromodomains associated with TFIID. *Proc. Acad. Natl. Sci. USA*. 99, 9334-9339 (2002).
19. Padmanabhan, B.; Pahler, A.; Horikoshi, M. Crystal structure of Creatine amidinohydrolase from *Actinobacillus*. *Acta Cryst. D*. 58, 1322-1328 (2002).

20. Adachi, N.; Kimura, A.; Horikoshi, M. A conserved motif common to histone acetyltransferase (Esa1) and deacetylase (Rpd3). *J. Biol. Chem.* 277, 35688-35695 (2002).
21. Padmanabhan, B.; Kataoka, K.; Adachi, N.; Horikoshi, M. Purification, crystallization and preliminary X-ray diffraction analysis of yeast nucleosome-assembly factor Cia1p. *Acta Cryst. D.* 58, 1876-1878 (2002).
22. Kimura, A.; Umehara, T.; Horikoshi, M. Chromosomal gradient of histone acetylation established by Sas2p and Sir2p functions as a shield against gene silencing. *Nat. Genet.* 32, 370-377 (2002).
23. Padmanabhan, B.; Kuzuhara, T.; Horikoshi, M. The crystal structure of human CCG1/TAFII250-interacting factor B (CIB). *submitted*.
24. Kimura, A.; Adachi, N.; Horikoshi, M. Construction of yeast vectors with FLAG and histidine tags for rapid purification of protein complexes in yeast. *submitted*.
25. Yamaki, M.; Kijima, K.; Horikoshi, M. Universal cell death promoted by a yeast factor in eukaryotic and prokaryotic cells. *submitted*.
26. Suzuki, T.; Miyamoto, S.; Munemasa, Y.; Muto, S.; Aizawa, K.; Horikoshi, M.; Nagai, R. Functional interaction of the DNA-binding transcription factor Sp1 through its DNA-binding domain with the nucleosome assembly factor TAF-I. *submitted*.
27. Adachi, N.; Horikoshi, M. Origin of eukaryotic transcription factors. *submitted*.
28. Padmanabhan, B.; Adachi, N.; Kataoka, K.; Horikoshi, M. The crystal structure of yeast regulatory particle non-ATPase subunit 6 (Nas6p). *submitted*.
29. Umehara, T.; Kimura, A.; Horikoshi, M. Independent control of chromosome termini by histone acetyltransferase Sas2p and histone chaperone Cia1p/Asf1p. *submitted*.
30. Kimura, A.; Horikoshi, M. Dual roles of Sir proteins in yeast DNA repair pathway. *in preparation*.
31. Umehara, T.; Horikoshi, M. An early spermatogenic cell-expressed factor CIA-II holding histone chaperone activity. *submitted*.
32. Matsubara, K.; Kimura, A.; Umehara, T.; Horikoshi, M. Bromodomain-containing TFIID subunit recruits histone chaperone Cia1p in response to acetylation of histone H2A. *submitted*.
33. Munemasa, Y.; Chimura, T.; Umehara, T.; Horikoshi, M. TFIID subunit TAF_{II}67 disassembles nucleosomes to facilitate chromatin transcription. *submitted*.
34. Miyamoto, S.; Suzuki, T.; Muto, S.; Aizawa, K.; Imai, Y.; Horikoshi, M.; Nagai, R. Regulation of the Krüppel-like zinc finger transcription factor BTEB2/KLF5 by the leukemia-associated protein SET. *submitted*.
35. Muto, S.; Kimura, A.; Adachi, N.; Suzuki, T.; Nagai, R.; Horikoshi, M. Acetylation and Transcriptional Regulation of BTEB2/IKLF by p300. *submitted*.

II. Meetings

36. Horikoshi, M. Characterization of various newly isolated factors interacting with TFIID and general initiation factors. A Symposium sponsored by the National Institute for Child Health and Human Development "The Eukaryotic Nucleus." Virginia USANov. 1997.
37. Adachi, N.; Kimura, A.; Yamamoto, T.; Horikoshi, M. Novel substrate specificity of the histone acetyltransferase activity of HIV-1-Tat interactive protein Tip60. Keystone Symposia on Transcriptional Mechanisms, Taos, USAFeb. 1998.
38. Horikoshi, M. Isolation and characterization of various new factors interacting with TFIID and general initiation factors. Keystone Symposia on Transcriptional Mechanisms, Taos, USAFeb. 1998.
39. Adachi, N.; Kimura, A.; Yamamoto, T.; Horikoshi, M. Novel substrate specific histone acetyltransferase activity of HIV-1 Tat interactive protein Tip60. Keystone Symposium "Epigenetic Regulation of Transcription." Colorado USAApril 1998.
40. Shimomura, A.; Kimura, A.; Horikoshi, M. Novel substrate specificity of the histone acetyltransferase activity of HIV-1 Tat interactive protein Tip60. Cold Spring Harbor Meeting "The Cell Cycle." New York, USAMay 1998.
41. Horikoshi, M. Characterization of the histone acetyltransferase activity HIV-1-tat interactive protein Tip60. 63 rd Cold Spring Harbor Symposium "Mechanisms of Transcription." New York, USAJune 1998.
42. Horikoshi, M. Isolation and characterization of new factors interacting with TFIID and general initiation factors. Third EMBL Meeting on Transcription. Heidelberg, GermanyAug. 1998.

43. Kataoka, K.; Kimura, A.; Horikoshi, M. Characterization of the histone acetyltransferase activity of HIV-1-Tat interactive protein Tip60. European Research Conference on Gene Transcription in Yeast. Granada, Spain Sep. 1998.
44. Sasaki, T.; Kimura, A.; Horikoshi, M. The substrate specificity of the histone acetyltransferase activity in HIV-1-Tat interactive protein Tip60. Cold Spring Harbor Laboratory meeting on Dynamic Organization of Nuclear Function, New York, USA, Oct. 1998.
45. 吉田栄作; 堀越正美. クロマチン構造変換系におけるブロモドメイン蛋白質の機能解析. 第21回日本分子生物学会年会, 横浜 Dec. 1998, 日本分子生物学会講演要旨集 403.
46. 宇津野国治; 吉田栄作; 堀越正美. クロマチン構造変換系におけるヒストンフォールドドメイン蛋白質の機能解析. 第21回日本分子生物学会年会, 横浜 Dec. 1998, 日本分子生物学会講演要旨集 405.
47. 片岡和宏; 堀越正美. クロマチン構造変換系におけるクロモドメイン蛋白質の機能解析. 第21回日本分子生物学会年会, 横浜 Dec. 1998, 日本分子生物学会講演要旨集 405.
48. Horikoshi, M. Isolation and characterization of new factors interacting with TFIID and general initiation factors. Swiss Institute for Experimental Cancer Research Conference: Cancer and the Cell Cycle, Lausanne, Switzerland Jan. 1999.
49. Yoshida, E.; Horikoshi, M. Functional analysis of the interaction between bromodomains and their binding proteins in chromatin remodeling systems. Swiss Institute for Experimental Cancer Research Conference: Cancer and the Cell Cycle, Lausanne Jan. 1999.
50. Horikoshi, M.; Isolation and characterization of various novel factors interacting with TFIID subunits. Cold Spring Harbor Lab. Meeting "Mechanisms of eukaryotic transcription." New York, USA, Sep. 1999.
51. Yoshida, E.; Horikoshi, M. Analysis of chromatin remodeling through interactions between bromodomains and their binding proteins. Cold Spring Harbor Laboratory Meeting on Mechanisms of Eukaryotic Transcription, New York, USA, Sep. 1999.
52. Sasaki, T.; Horikoshi, M. Roles of nucleosome assembly factors in structural exchange of chromatin. NIH Symposium on The Eukaryotic Nucleus, West Virginia, USA, Sep. 1999.
53. 吉田栄作; 堀越正美. ブロモドメイン相互作用因子によるクロマチン構造変換制御. 第72回日本生化学会大会, 横浜 Oct. 1999, 日本生化学会発表抄録集 607.
54. 安達宣明; 八巻真理子; 堀越正美. 分裂酵母を用いたTFIIDサブユニットTAFII250/CGG1の遺伝学的, 細胞生物学的解析. 第72回日本生化学会大会, 横浜 Oct. 1999, 日本生化学会発表抄録集 813.
55. 安達成彦; 堀越正美. 新規出芽酵母ヒストン脱アセチル化酵素複合体の単離と解析. 第72回日本生化学会大会, 横浜 Oct. 1999, 日本生化学会発表抄録集 813.
56. 片岡和宏; 堀越正美. クロマチン構造変換系におけるクロモドメイン蛋白質の機能解析. 第72回日本生化学会大会, 横浜 Oct. 1999, 日本生化学会発表抄録集 813.
57. 佐々木貴代; 堀越正美. クロマチン構造変換機構におけるヌクレオソームアセンブリー因子の役割. 第72回日本生化学会大会 横浜, Oct. 1999, 日本生化学会発表抄録集 813.
58. 早川智英; 吉田栄作; 堀越正美. 核マトリックスを介した核内反応の分子メカニズムの解析. 第72回日本生化学会大会, 横浜 Oct. 1999, 日本生化学会発表抄録集 813.
59. Horikoshi, M.; Novel factors interacting with TFIID subunits. ASBMB Fall Symposia on Mechanism and Regulation of Transcription by RNA Polymerase II, Lake Tahoe, USA, Oct. 1999.
60. Yamaki, M.; Umehara, T.; Chimura, T.; Horikoshi, M. The deletion of CIA mediates cell death of yeast *S. cerevisiae*. ASBMB Fall Symposia on Mechanism and Regulation of Transcription by RNA Polymerase II, Lake Tahoe, USA, Oct. 1999.
61. 梅原崇史; 木村暁; 堀越正美. 出芽酵母サイレンシング因子群の全ゲノムに対する遺伝子発現制御活性の解析. 第22回日本分子生物学会年会, 福岡 Dec. 1999, 日本分子生物学会講演要旨集 219.
62. 佐々木貴代; 堀越正美. CGG1相互作用因子CIAの機能解析. 第22回日本分子生物学会年会, 福岡 Dec. 1999, 日本分子生物学会講演要旨集 578.
63. 下村敦司; 堀越正美. 出芽酵母ヒストンH1の相互作用因子の単離と解析. 第22回日本分子生物学会年会, 福岡 Dec. 1999, 日本分子生物学会講演要旨集 578.

64. 八巻真理子; 梅原崇史; 千村崇彦; 堀越正美. CIA遺伝子欠損により誘導された出芽酵母*S. cerevisiae*の細胞死. 第22回日本分子生物学会年会, 福岡 Dec. 1999, 日本分子生物学会講演要旨集 578.
65. 安達宣明; 堀越正美. TFIIDサブユニットの機能解析. 第22回日本分子生物学会年会, 福岡 Dec. 1999, 日本分子生物学会講演要旨集 579.
66. 片岡和宏; 堀越正美. クロモドメイン相互作用因子の機能解析. 第22回日本分子生物学会年会, 福岡 Dec. 1999, 日本分子生物学会講演要旨集 579.
67. 吉田栄作; 堀越正美. プロモドメインによる蛋白質分解制御とクロマチン構造変換機構の解析. 第22回日本分子生物学会年会, 福岡 Dec. 1999, 日本分子生物学会講演要旨集 579.
68. Horikoshi, M. Novel chromatin-related factors. Keystone symposia "Chromatin Structure and Function." Colorado, USA, Feb. 2000.
69. Adachi, N.; Kimura, A.; Horikoshi, M. Isolation and characterization of novel histone deacetylase complex in *Saccharomyces cerevisiae*. Keystone Symposia "Chromatin Structure and Function." Colorado, USA, Feb. 2000.
70. Adachi, N.; Yamaki, M.; Yamamoto, T.; Horikoshi, M. Genetical and cell-biological analysis of *S. pombe* TAFII250/CCG1, a subunit of TATA box binding factor TFIID. Keystone Symposia on Nuclear Receptor 2000, Colorado, USA, March 2000.
71. Hasegawa, S.; Sasaki, T.; Horikoshi, M. Structural exchange of chromatin by nucleosome assembly factors. Keystone Symposia on Nuclear Receptor 2000, Colorado, USA, March 2000.
72. Padmanabhan, B.; Kuzuhara, T.; Horikoshi, M. Crystallization of CCG1 interacting factor B. 8th International Conference on the Crystallization of Biological Macromolecules, Florida, USA, May 2000.
73. Yamaki, M.; Adachi, N.; Horikoshi, M. A fission yeast homologue TAFII250/CCG1 is responsible for structural regulation of chromatin and cell death. 2000 FASEB Summer Research Conferences on Transcriptional Regulation during Cell Growth, Differentiation and Development, Colorado, USA, June 2000.
74. Ito, S.; Yamaki, M.; Umehara, T.; Chimura, T.; Horikoshi, M. Functional analysis of histone chaperone CIA. 2000 FASEB Summer Research Conferences on Transcriptional Regulation During Cell Growth, Differentiation and Development, Colorado, USA, June 2000.
75. Yamaki, M.; Umehara, T.; Chimura, T.; Horikoshi, M. Deletion of histone chaperone CIA induces apoptosis in budding yeast. 4th EMBL Transcription Meeting. Heidelberg, Germany, Aug. 2000.
76. 梅原崇史; 堀越正美. サイレンシング変異解析から示された染色体末端の遺伝子発現障壁構造. 第73回日本生化学会大会 横浜, Oct. 2000, 日本生化学会発表抄録集 970.
77. 佐々木貴代; 吉田栄作; 堀越正美. ヒストンシャペロンCIAに対する活性制御因子の解析. 第73回日本生化学会大会, 横浜 Oct. 2000, 日本生化学会発表抄録集 971.
78. 安達成彦; 木村暁; 堀越正美. ヒストン脱アセチル化酵素における新規モチーフ構造の発見と解析. 第73回日本生化学会大会, 横浜 Oct. 2000, 日本生化学会発表抄録集 971.
79. 早川智英; 吉田栄作; 堀越正美. クロマチン転写反応におけるRNAポリメラーゼIIの機能解析. 第73回日本生化学会大会, 横浜 Oct. 2000, 日本生化学会発表抄録集 971.
80. 片岡和宏; 安達成彦; 堀越正美. 新規SWI/SNF型ATPase複合体の精製と解析. 第73回日本生化学会大会, 横浜 Oct. 2000, 日本生化学会発表抄録集 971.
81. 本藤隆亨; Padmanabhan, B; 木村暁; 堀越正美. ヒストンアセチル化酵素MYSTドメインの構造解析. 第73回日本生化学会大会, 横浜 Oct. 2000, 日本生化学会発表抄録集 971.
82. 吉田栄作; 堀越正美. プロモドメイン相互作用因子の機能解析. 第73回日本生化学会大会, 横浜 Oct. 2000, 日本生化学会発表抄録集 972.
83. 八巻真理子; 梅原崇史; 千村崇彦; 堀越正美. ヒストンシャペロンCIAの欠損が誘導する出芽酵母のアポトーシス. 第73回日本生化学会大会, 横浜 Oct. 2000, 日本生化学会発表抄録集 972.
84. 本藤隆; Padmanabhan, B; 葛原隆; 堀越正美. 新規クロマチン関連因子の構造生物学的アプローチによる解析. 第23回日本分子生物学会年会, 神戸 Dec. 2000, 日本分子生物学会講演要旨集 651.

85. 安達成彦; 堀越正美. 新規ヒストン脱アセチル化酵素複合体の単離と解析. 第23回日本分子生物学会年会, 神戸 Dec. 2000, 日本分子生物学会講演要旨集 652.
86. 片岡和宏; 堀越正美. 新規SWI/SNF型ATPase複合体の単離と解析. 第23回日本分子生物学会年会, 神戸 Dec. 2000, 日本分子生物学会講演要旨集 652.
87. 吉田栄作; 千村崇彦; 堀越正美. ブロモドメイン因子ネットワークの生化学的・遺伝学的解析. 第23回日本分子生物学会年会, 神戸 Dec. 2000, 日本分子生物学会講演要旨集 652.
88. 梅原崇史; 堀越正美. 出芽酵母染色体末端の遺伝子発現障壁構造. 第23回日本分子生物学会年会, 神戸 Dec. 2000, 日本分子生物学会講演要旨集 652.
89. 佐々木貴代; 堀越正美. ヒストンシャペロン間の相互作用によるヌクレオソーム構造変換反応の制御. 第23回日本分子生物学会年会, 神戸 Dec. 2000, 日本分子生物学会講演要旨集 653.
90. Kataoka, K.; Adachi, N.; Kimura, A.; Horikoshi, M. Analysis of chromatin modifying enzyme complexes. Keystone Symposia -Mechanism of Eukaryotic Transcriptional Regulation-, Santa Fe, USA, Feb. 2001.
91. Horikoshi, M. Novel chromatin-related factors CIA, CIB and CIC. Keystone Symposia -Mechanism of Eukaryotic Transcriptional Regulation-, Santa Fe, USA, Feb. 2001.
92. Padmanabhan, B.; Kuzuhara, T.; Horikoshi, M. Crystallographic studies of a human CCG1 interacting factor B. Experimental Biology 2001, Orland, USA, March 2001.
93. 堀越正美. クロマチン構造変換反応における新規蛋白質の機能解明および蛋白質機能と蛋白質三次構造の関連性. 第一回日本蛋白質科学会年会, 大阪 June 2001.
94. Horikoshi, M. Novel chromatin-related factors CIA, CIB and CIC. Cold Spring Harbor Laboratory Meeting on Mechanisms of Eukaryotic Transcription, New York, USA, Aug. 2001.
95. Yamaki, M.; Kijima, A.; Horikoshi, M. Prototypal active cell death in *S. cerevisiae* and *E. coli* induced by a yeast factor similar to *C. elegans* ced-3 CARD. 5th Multinational Congress on Electron Microscopy, Lecce, Italy, Sep. 2001.
96. 安達成彦; 木村暁; 堀越正美. ヒストンアセチル化酵素と脱アセチル化酵素内の新規モチーフ構造の発見と解析. 第74回日本生化学会大会, 京都 Oct. 2001, 日本生化学会発表抄録集 711.
97. 梅原崇史; 堀越正美. ヒストンシャペロンCIAの酸性ドメイン機能解析. 第74回日本生化学会大会 京都, Oct. 2001, 日本生化学会発表抄録集 712.
98. 木島暁子; 堀越正美. 線虫 *C. elegans* におけるヒストンアセチル化酵素MYST複合体の機能解析. 第74回日本生化学会大会, 京都 Oct. 2001, 日本生化学会発表抄録集 711.
99. Padmanabhan, B.; 葛原隆; 堀越正美. TFIIDサブユニットCCG1と相互作用する新規因子CIBの三次構造・機能解析. 第74回日本生化学会大会, 京都 Oct. 2001, 日本生化学会発表抄録集 712.
100. Padmanabhan, B.; Kuzuhara, T.; Horikoshi, M. High resolution crystal structure of human CCG1/TAII250-interacting factor B (CIB). The 4th Meeting of the Asian Crystallographic Association, Bangalore, India, Nov. 2001.
101. 安達成彦; 木村暁; 堀越正美. ヒストンアセチル化酵素と脱アセチル化酵素内における新規モチーフ構造の発見と解析. 第24回日本分子生物学会年会, 横浜 Dec. 2001, 日本分子生物学会講演要旨集 394.
102. 梅原崇史; 堀越正美. 遺伝子発現プロファイル解析から示された出芽酵母染色体末端の断続性. 第24回日本分子生物学会年会, 横浜 Dec. 2001, 日本分子生物学会講演要旨集 352.
103. 木島暁子; 早川智英; 堀越正美. 線虫 *C. elegans* におけるヒストンアセチル化酵素MYST複合体の機能解析. 第24回日本分子生物学会年会, 横浜 Dec. 2001, 日本分子生物学会講演要旨集 394.
104. 長谷川聡; 石和俊; 堀越正美. 転写調節因子群とクロマチン関連因子群の相互作用解析. 第24回日本分子生物学会年会, 横浜 Dec. 2001, 日本分子生物学会講演要旨集 394.
105. Padmanabhan, B.; 葛原隆; 堀越正美. High resolution crystal structure of human CCG1/TAII250-interacting factor B (CIB). 第24回日本分子生物学会年会, 横浜 Dec. 2001, 日本分子生物学会講演要旨集 298.
106. 堀越正美. クロマチン関連因子の単離・解析を通して挑むクロマチン反応機構の解析. 第24回日本分子生物学会年会, 横浜 Dec. 2001, 日本分子生物学会講演要旨集 321.

107. 松原和子; 梅原崇史; 作野剛士; 堀越正美. クロマチン構造変換反応におけるヒストンの役割. 第24回日本分子生物学会年会, 横浜 Dec. 2001, 日本分子生物学会講演要旨集 394.
108. 宗政歆子; 梅原崇史; 千村崇彦; 堀越正美. ヒストンシャペロンとして機能する転写基本因子の機能解析. 第24回日本分子生物学会年会, 横浜 Dec. 2001, 日本分子生物学会講演要旨集 321.
109. 八巻真理子; 木島暁子; 堀越正美. Prototypal active cell death in *S. cerevisiae* and *E. coli* induced by a yeast factor similar to *C. elegans* ced-3 CARD domain. 第24回日本分子生物学会年会, 横浜 Dec. 2001, 日本分子生物学会講演要旨集 340.
110. Horikoshi, M. Novel chromatin modulating factors interacting with TFIID and general transcription factors. Keystone Symposia -Chromatin Structure and Activity-, Santa Fe, USA, Jan. 2002.
111. Muto, S.; Suzuki, T.; Kimura, A.; Aizawa, K.; Miyamoto, S.; Imai, Y.; Amaki, T.; Fukino, K.; Mizuno, Y.; Manabe, I.; Shindo, T.; Maemura, K.; Nagai, R.; Horikoshi, M. 第66回日本循環器学会総会, 札幌 April 2002, 日本循環器学会講演要旨集283.
112. 堀越正美. 遺伝子発現機構の解明を目指して. 堀越ジーンセクタープロジェクトシンポジウム 東京, July 2002, 堀越ジーンセクタープロジェクトシンポジウム講演要旨集 1-26.
113. 木村暁. 「ジーンセクター」によるゲノム制御. 堀越ジーンセクタープロジェクトシンポジウム, 東京 July 2002, 堀越ジーンセクタープロジェクトシンポジウム講演要旨集 27-45.
114. 安達成彦. 「ジーンセクター」の構造進化. 堀越ジーンセクタープロジェクトシンポジウム 東京, July 2002, 堀越ジーンセクタープロジェクトシンポジウム講演要旨集46-66.
115. 八巻真理子. 「ジーンセクター」による細胞運命制御. 堀越ジーンセクタープロジェクトシンポジウム 東京, July 2002, 堀越ジーンセクタープロジェクトシンポジウム講演要旨集67-84.
116. 梅原崇史. 応用展開を目指した「ジーンセクター」研究. 堀越ジーンセクタープロジェクトシンポジウム 東京, July 2002, 堀越ジーンセクタープロジェクトシンポジウム講演要旨集85-103.
117. Adachi, N.; Kimura, A.; Horikoshi, M. A conserved motif common to histone acetyltransferase (Esa1) and deacetylase (Rpd3). Gordon Research Conference. July 2002.
118. Padmanabhan, B.; Kuzuhara, T.; Horikoshi, M. Crystal structure analysis of human CCG1/TAII250-interacting factor B (CIB). XIX Congress and General Assembly of the International Union of Crystallography. Geneva, Switzerland, Aug. 2002.
119. Muto, S.; Suzuki, T.; Kimura, A.; Adachi, N.; Nagai, R.; Horikoshi, M. Acetylation and transcriptional regulation of the transcription factor IKLF/BTEB2 by p300. 5th EMBL Transcription Meeting, Heidelberg, Germany, Aug. 2002.
120. Horikoshi, M. Chromosomal gradient of histone acetylation acts as an anti-silencing shield. Cold Spring Harbor Laboratory Meeting on Dynamic Organization of Nuclear Function, New York, USA, Sep. 2002.
121. 木村暁; 梅原崇史; 堀越正美. 染色体上でのヒストンアセチル化の勾配形成とその役割. 第75回日本生化学会大会, 京都 Oct. 2002, 日本生化学会発表抄録集 652.
122. 鈴木亨; 宮本素; 宗政歆子; 武藤真祐; 堀越正美; 永井良三. 転写調節因子のDNA結合ドメインを介するクロマチン転写調節制御の新規モデル. 第75回日本生化学会大会, 京都 Oct. 2002, 日本生化学会発表抄録集 652.
123. 堀越正美. クロマチン関連因子. 第75回日本生化学会大会 京都, Oct. 2002, 日本生化学会発表抄録集 906.
124. 梅原崇史; 木村暁; 堀越正美. 染色体末端を制御するヒストン修飾酵素とヒストンシャペロン. 第75回日本生化学会大会, 京都 Oct. 2002, 日本生化学会発表抄録集 906.
125. 安達成彦; 堀越正美. 真核生物転写基本因子の起源. 第75回日本生化学会大会, 京都 Oct. 2002, 日本生化学会発表抄録集 912.
126. Padmanabhan, B.; 安達成彦; 片岡和宏; 堀越正美. 癌遺伝子産物Gankyrinホモログの立体構造解析. 第75回日本生化学会大会, 京都 Oct. 2002, 日本生化学会発表抄録集 912.
127. Muto, S.; Kimura, A.; Adachi, N.; Suzuki, T.; Nagai, R.; Horikoshi, M. Acetylation and transcriptional regulation of the transcription factor KLF5/BTEB2 by p300. 75th American Heart Association, Chicago, USA, Nov. 2002.

128. 木村暁; 堀越正美. 生体内でヒストンの特定のリジン残基がアセチル化される機構の提唱. 第25回日本分子生物学会年会, 横浜 Dec. 2002, 日本分子生物学会講演要旨集514.
129. 松原和子; 梅原崇史; 木村暁; 堀越正美. クロマチン構造変換反応におけるヒストンの役割. 第25回日本分子生物学会年会, 横浜 Dec. 2002, 日本分子生物学会講演要旨集514.
130. 葛原隆; Padmanabhan, B; 堀越正美. 立体構造解析を基にしたCCG1相互作用因子CIBの生化学的機能解析 第25回日本分子生物学会年会 横浜, Dec. 2002, 日本分子生物学会講演要旨集514.
131. 宗政歆子; 千村崇彦; 梅原崇史; 堀越正美. TFIIDサブユニットのヌクレオソーム破壊能. 第25回日本分子生物学会年会, 横浜 Dec. 2002, 日本分子生物学会講演要旨集514.
132. 武藤真祐; 鈴木亨; 木村暁; 永井良三; 堀越正美. クロマチン構造変換因子によるzinc finger型転写因子の転写活性制御. 第25回日本分子生物学会年会 横浜, Dec. 2002, 日本分子生物学会講演要旨集515.
133. 安達成彦; Padmanabhan, B.; 片岡和宏; 堀越正美. 癌遺伝子産物ガンキリンホモログの立体構造解析-細胞周期G1→S期進行制御の解析-. 第25回日本分子生物学会年会, 横浜 Dec. 2002, 日本分子生物学会講演要旨集515.
134. 梅原崇史; 木村暁; 堀越正美. ヒストンアセチル化酵素とヒストンシャペロンによる染色体末端構造の制御. 第25回日本分子生物学会年会, 横浜 Dec. 2002, 日本分子生物学会講演要旨集515.
135. 八巻真理子; 木島暁子; 堀越正美. 原核単細胞生物に自発的な細胞死を引き起こす酵母因子UNI1. 第25回日本分子生物学会年会, 横浜 Dec. 2002, 日本分子生物学会講演要旨集515.
136. 堀越正美. Mechanism of biological phenomena centered on nuclear chromatin factors. 第25回日本分子生物学会年会, 横浜 Dec. 2002, 日本分子生物学会講演要旨集342.

III. Reviews and Books

137. 堀越正美木村暁千村崇彦. “染色体からの転写調節機構.” 蛋白質核酸酵素 43, 2059-2078 (1998).
138. 堀越正美. “分子遺伝学の基礎.” 腎と透析: 分子腎臓病学 45, 10-21 (1998).
139. 堀越正美. “DNAの構造と機能.” 腎と透析: 分子腎臓病学 45, 22-33 (1998).
140. 堀越正美. “転写因子をめぐる最近の話題-クロマチン構造変換因子を中心に” 免疫 Immunology Frontier 9, 13-26 (1999).
141. 安達成彦堀越正美. “核内レセプタースーパーファミリーの構造と分類.” 内分泌・糖尿病科8, 519-530 (1999).
142. 下村敦司堀越正美. “核内レセプターによる転写制御機構.” 内分泌・糖尿病科 8, 531-546 (1999).
143. 安達宣明堀越正美. “TFIIDを中心とした転写制御機構.” 医学のあゆみ190, 598-611 (1999).
144. 安達成彦堀越正美. “核内受容体を介する転写調節機構.” Progress in Medicine 19, 2411- 2426 (1999).
145. 堀越正美. “クロマチン構造から裸のDNAへの変換機構.” 心臓 32, 112-129 (2000).
146. 佐々木貴代堀越正美. “創薬と転写.” 蛋白質核酸酵素 45, 833-844 (2000).
147. 堀越正美. “ヒストンアセチル化酵素およびヒストン脱アセチル化酵素を介したクロマチン機能活性制御機構.” 蛋白質核酸酵素 45, 1446-1464 (2000).
148. 堀越正美 (訳). “lacオペロン” シュプリングー・フェアラー東京 (2001).
149. 早川智英堀越正美. “転写酵素RNAポリメラーゼI, II, III-転写基本装置および転写制御装置としての理解-” 遺伝子発現 18-51 (2001).
150. 葛原 隆, 堀越正美. “RNAポリメラーゼ II転写系の基本機構.” 遺伝子発現52-86 (2001).
151. 長谷川聡堀越正美. “TFIID複合体とその役割.” 遺伝子発現 106-135 (2001).
152. 溝口信貴堀越正美. “RNAポリメラーゼ IIによる転写終結反応とmRNAプロセッシング反応の分子機構.” 遺伝子発現146-162 (2001).
153. 棟方 翼; 堀越正美. “RNAポリメラーゼ I転写の理解.” 遺伝子発現163-186 (2001).
154. 梅原崇史堀越正美. “RNAポリメラーゼIII転写の理解.” 遺伝子発現 187-203 (2001).
155. 本藤隆亨堀越正美. “NMRおよびX線解析から見た最近の転写制御解析.” 遺伝子発現 224-253 (2001).
156. 千村崇彦横山夏子; 堀越正美. “クロマチン構造変換反応と転写調節機構.” 遺伝子発現 254-285 (2001).
157. 吉田栄作佐々木貴代; 堀越正美. “蛋白質-蛋白質相互作用から考察した転写制御機構.” 遺伝子発現 298-364 (2001).
158. 安達成彦堀越正美. “シグナル伝達を介する転写調節機構.” 遺伝子発現 378-402 (2001).
159. 木村 暁; 作野剛士堀越正美. “酵母における転写調節研究.” 遺伝子発現 418-434 (2001).
160. 堀越正美. “遺伝子発現-ジーンセレクターから生命現象へ-” 中外医学社 (2001).
161. 堀越正美. “クロマチン構造変換機構の解析.” 構造生物 (2002).
162. 堀越正美. “クロマチンと遺伝子機能制御.” シュプリングー・フェアラー東京 出版予定 (2003).